(Senior) Bioinformatiker (m/w/d) in der Humangenetik

Die Humangenetik (Limbach Genetics) ist ein zentrales strategisches Wachstumsfeld der Limbach Gruppe.

Unter der Leitung von Herrn Professor Dr. med. Carsten Bergmann agiert Limbach Genetics standort-übergreifend als Zusammenschluss mehrerer hochqualifizierter genetischer Praxen und Laboratorien. In einer Kombination aus medizinischen Werten, Qualität und Wissenschaft ist es unser gemeinsames Ziel, das Feld der Humangenetik weiter dynamisch voranzutreiben. Teamplay und ein fairer, offener Umgang miteinander sind für uns zentrale Elemente.

Wir verfügen über große Erfahrung in allen Teilbereichen der genetischen Diagnostik und gehören zu den führenden genetischen Anbietern. Neben der tagtäglichen Routine beteiligen wir uns intensiv an wissenschaftlichen Studien und etablieren frühzeitig neue, anspruchsvolle Verfahren wie aktuell etwa WGS, RNA Seq oder Liquid Biopsy. Wir sind davon überzeugt, dass nur mit inhaltlicher Tiefe der Prozesse und einer von Neugier und Empathie geprägten medizinisch-wissenschaftlichen Grundhaltung das spannende und herausfordernde Feld der Humangenetik weiterzuentwickeln ist und eine qualitativ hochwertige genetische Diagnostik und Beratung nachhaltig angeboten werden kann.

Aufgaben

- Aufbau und Betrieb einer anspruchsvollen Bioinformatik-Infrastruktur zur Daten-Prozessierung im Bereich der molekulargenetischen Diagnostik (Panels, WES, WGS, RNASeq, Datenbanken) unter Berücksichtigung gängiger QS-Richtlinien
- Entwicklung von Auswerte-Algorithmen (Skripting) zur effizienten Varianten-Interpretation (Scoring Systeme, Metascores)
- Anwendung statistischer Verfahren (Data Mining, Advanced Analytics) zur Entwicklung ausführbarer Modelle
- Design von Datenmodellen, Entwurf automatisierter Ladeprozesse zur Normierung, Datenintegration und Verknüpfung von NGS-Daten, Labordaten, Kommentierungen und weiterer Knowledge-Metadaten

Profil

- Erfolgreicher Hochschulabschluss (Master/Diplom o. Ä.) im Bereich Informatik/Bioinformatik, evtl. Promotion mit relevanter Thematik
- Sie arbeiten gerne in einem interdisziplinären Team und haben Interesse an innovativen Fragestellungen und Methoden
- Mehrjährige Berufserfahrung im o. g. Aufgabenbereich inkl. Prozessierung großer NGS-Datenmengen (WES, WGS, RNASeq)
- Mehrjährige Praxiserfahrung im Design von Datenbankmodellen, Erstellung und Abfrage relationaler Datenstrukturen mit SQL
- Möglichst praktische Erfahrung mit Standard Tools für Data Pipelining/ETL und Data Mining
- Erfahrung im Aufbau einer Sekundäranalyse-Pipeline in der Tumorgenetik ist wünschenswert
- Gutes Verständnis für biostatistische und epidemiologische Fragestellungen
- Zuverlässigkeit und hohe Eigeninitiative/Motivation zeichnen Sie aus
- Sie verfügen über eine pragmatische und effizienzorientierte Arbeitsweise

Chance

- Ein sicherer Arbeitsplatz mit langfristiger Perspektive und Wachstumspotenzial
- Herausfordernde und verantwortungsvolle Aufgaben in einem sich rasant entwickelnden und innovativen Bereich der medizinischen Diagnostik mit nationalem und internationalem Netzwerk
- Ein motiviertes und lösungsorientiertes Team, in dem Sie sich gemeinsam mit dem Unternehmen weiterentwickeln und wachsen können
- Die Möglichkeit zu sowohl internen als auch externen Fort- und Weiterbildungen, ist für uns eine Selbstverständlichkeit
- Laborneubau mit modernster Geräteausstattung
- Ein modernes, zeitgemäßes Arbeitsmodell mit Flexibilität für Home-Office-Arbeitsweisen

Vorteile

Job-Ticket

Weiterbildungsangebote

Limbach Genetics
Medizinische Genetik Mainz

Einstiegslevel:
Mitarbeiter

Standort:
Mainz

Art:
Vollzeit

Unternehmensbereich:
Humangenetik

Kontakt:
Anita Dyrbusch
Senior Projekt Manager Recruiting
Tel.: +49 6221 / 1853 - 249

Zum Stellenmarkt: